ОЦЕНКА АССОЦИАЦИИ ПОЛИМОРФИЗМА ILE105VAL ГЕНА GSTP1 С РИСКОМ РАЗВИТИЯ ГНЕЗДНОЙ АЛОПЕЦИИ

Абдукадирова Ю.Ш.[1], Мавлянова Ш.З.[2]
[1,2]Республиканский специализированный научно-практический медицинский центр дерматовенерологии и косметологии МЗ РУз

DOI: 10.67620/dermajournal.1730004

В последнее время особое внимание уделяется к изучению генов ферментов биотрансформации ксенобиотиков (ФБК), которые являются кандидатными в формировании предрасположенности к многим патологиям, так как их белковые продукты осуществляют взаимодействие со средой, детоксицируя или токсифицируя чужеродные химические соединения, попадающие в организм, в том числе и лекарственные препараты .

В связи с этим особый интерес представился исследования гена, кодирующие ферменты системы биотрансформации ксенобиотиков и антиоксидантной защиты GSTP1 у больных с гнездной алопецией.

Гнездная алопеция (ГА) представляет собой хроническое иммуновоспалительное заболевание кожи, характеризующееся нерубцовым выпадением волос различной степени выраженности. Поиск генетических факторов развития заболевания раскрывает новые механизмы развития заболеваемости.

Целью исследования явилась оценка частоты аллельных вариантов и генотипов полиморфизма Ile105Val (rs1695) гена GSTP1 у больных гнездной алопецией узбекской популяции.

Материал и методы исследования. Обследовано 55 пациентов с гнездной алопецией и 35 практически здоровых лиц контрольной группы. Генотипирование полиморфизма GSTP1 rs1695 проводили методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. Проведён анализ частоты аллелей и генотипов, доминантной модели наследования, соответствия распределения генотипов равновесию Харди–Вайнберга, а также ассоциации полиморфизма с клиническими формами заболевания.

Результаты исследования. У больных гнездной алопецией частота аллеля G составила 35,5%, тогда как в контрольной группе — 4,3% (χ^2=20,49; p<0,0001; OR=12,27; 95% ДИ 3,63–41,45). Генотип A/A чаще выявлялся в контрольной группе и имел протективную ассоциацию с заболеванием (OR=0,084; 95% ДИ 0,023–0,307). Частота гетерозиготного генотипа A/G у больных составила 34,5%, в контроле — 8,6% (OR=7,79; 95% ДИ 2,08–29,10). Наиболее выраженная ассоциация аллеля G выявлена при очаговой форме гнездной алопеции.

Выводы. Таким образом, проведённое молекулярно-генетическое исследование выявило статистически значимую ассоциацию полиморфного варианта Ile105Val (rs1695, c.313A>G) гена GSTP1 с гнездной алопецией в узбекской популяции.